

Nel laboratorio di Medicina molecolare «Analisi del genoma virale rilevato nel cluster di Vo' per indagare le varianti»



Stefano Toppo, Medicina molecolare

PADOVA

Nell'ambito della Biomedicina il professor Stefano Toppo guiderà il progetto di ri-

cerca *“Detection of Sars-CoV-2 viral variants, their evolution, and phylodynamics. May they have a role in reinfection cases and vacci-*

ne efficacy?” che prenderà in esame sotto vari profili il virus che ha colpito la popolazione di Vo', dove si è registrata la prima vittima Covid in Italia.

«Il progetto contempla l'analisi dei dati di sequenziamento del genoma virale della popolazione appartenente al cluster di Vo' che recentemente si è volontariamente sottoposta a un campionamento per lo studio della risposta anticorpale al virus e del genoma» spiega lo stesso professore. Che spiega: «Questo ci farà capire quali potrebbero essere le eventuali evoluzioni di mutazioni che il virus ha e che sta portando avanti nella nostra regione. Inoltre» aggiunge Toppo, «una analisi filodinamica ci permetterà di risalire la storia trovando il ceppo iniziale del virus e capire così l'origine dei ceppi virali nel nostro territorio e le varianti che si sono insediate nella nostra regione». Una ricerca, quindi, focalizzata sul virus che ha colpito il Veneto e che mira a capire anche come può essere sconfitto. —

E.L.

La proprietà intellettuale è riconducibile alla fonte specificata in testa alla pagina. Il ritaglio stampa è da intendersi per uso privato

